## 配列データベース管理マニュアル

## ● はじめに

これまでのバージョンでConfiguration Editor の「Database maintenance」 ページから 管理していたMASCOT Server の設定内容が2つに分割され、主にデータベースの設定を中心 とした「Dataabse Manager」とMASCOT Serverの各種パラメータを設定する 「Configuration Options」において管理する形式に変わりました。

「Database Manager」については、これまでのデータベース設定に加え、データベースファイルの自動更新の設定や最適なParse Rule の選別、さらには公開データベースのフォーマット変更にも対応し自動的に変更するなど、様々な機能が追加されました。

本資料では、インストール/バージョンアップ直後の初期設定方法と、「Database Manager」 で使用可能な各機能について説明します。

## ▶ 本資料で取り扱う内容と掲載ページ

□ Database Manager 初期設定	P.3
▼ Mascot ver. 2.3 からのアップデート時	P.3
▼ Mascot ver. 2.4 新規インストール時	P.8
□ Section 別 設定内容 :: Settings Section	P.11

▼	MASCOT Server のInternet 接続の可否	P.13
▼	MASCOT Server の 外部公開プログラムへの接続の可否	P.13
▼	プロキシ設定	P.14
▼	配列データベース設置場所の変更	P.16

## □ Section 別 設定内容 :: Database Manager Section P.17

▼	使用データベースのON/OFF, デー	-タベースファイル	の取得(更新	) P.18	3
▼	データベースファイルの定期的な自	国取得・更新設定		P.21	
▼	新規データベースの追加			P.23	
	- predefined database definition	P.24	- template		<b>P.28</b>
	- сору	P.34	-custom		<b>P.36</b>

	Section 別 設定内容 :: Tasks Section	P.45
▼	データベース更新進捗の確認	P.45

### Database Manager 初期設定

□ ver2.3からのバージョンアップ時に行う初期設定

Database Manager 機能の実装に伴い、ver. 2.3 から ver. 2.4 へのアップグレード時に改めて データベースの設定移行作業を行う必要があります。

データベースの設定移行作業を行う画面へアクセスするためには MASCOT のライセンス登録 後 Web ブラウザで Home → Configuration Editor → **Database Manager** を開きます。

{MATRIX } {SCIENCE }	HOME : MASCOT : HELP Search Go
Home	
Welcome	
This site features <b>Mascot</b> , a proteins from primary sequer substantial knowledge base	powerful search engine that uses mass spectrometry data to identify nce databases. To assist you, the help text for Mascot forms a concerning protein identification by MS.
If this is your first visit, pleas results from Mascot in a publ	e check for browser compatibility and read the small print. If you include
20( 🕹 Mascot configuration - Mo	zilla Firefox
ファイル(E) 編集(E) 表示(V           〇 Matrix Science	履歴(S) ブックマーク(E) ツール(I) ヘルプ(H) ascot config × □ Mascot SearchLog □ Mascot search st □ Mascot configura + 日
Mas (+> fr (mtc07)	'mascot/x-cgi/ms-config.exe 🏠 🛛 🤁 Google 🔎
sect Mascot Configu	ration
Elements	Element masses
Amino Acids	Amino Acid Data
Modifications	Modification definitions
Symbols	Symbols used in chemical formulae
Whe Instruments	Enzyme deliniuons
Quantitation	Quantitation Methods
Serv Configuration Options	Global Ontions in mascot dat
Ma Database Manager	Sequence databases, Parse Rules and automated downloads
Your http://mtc07/mascot/x-cgi/d	b_manager.pl
Database Status View the selection of th	
Search Log A tabular view of the s Configuration Editor	earch log. Can be filtered to find specific search results.
Browser-based configue	iration editors, including security administration and sequence

バージョンアップ後最初にDatabase Managerを開くと、次頁図のように初期設定画面が現 れます。ver. 2.4 では、公開データベースの設定に関してParse Rule をはじめとする各種項目 がXMLファイル configuration.xml (ローカルサーバーのconfigフォルダ内)にまとめられ ており、弊社公開サイト <u>www.matrixscience.com</u> においてもそのファイルを公開しています。

マトリックスサイエンス株式会社

Database Manager の最初の設定では、各データベースの設定に関して、これまで利用していた各設定項目をそのまま継続して利用する(Keep as Custom)か、それとも configuration.xml ファイルの設定を適用し、以降も定期的に変更がないかチェックし続ける(Synchronise)かを選択します。通常は最適設定が自動的に選ばれており変更する必要がない場合が多く、そのままパラメータを変更することなく「Import」を押します。



設定の目安ですが、SwissProtやNCBInrなど、弊社でもデフォルト設定を準備している公開 データベースの場合「Synchronise」を選択し、弊社でデフォルト設定を準備していない他の 公開データベースや、完全にオリジナルなカスタムデータベースの場合は「Keep as Custom」 が選択する事をお勧めします。

Existing	Predefined	Match	
SwissProt	SwissProt	perfect	Synchronise 💌
NCBInr	NCBInr	perfect	Synchronise 💌
IPI_human	IPI_human	perfect	Synchronise 💌
EST_human	EST_human	perfect	Synchronise 💽
cRAP	(none)	none	Keep as Custom
OriginalDB	(none)	none	Keep as Custom 💌
Import database configurat	ion by choosing Import.		

Database Manager 画面:データベースと選択項目について

表内の各項目の意味は以下の通りです。

項目名	説明
Existing	これまでのバージョンで利用していたデータベースの名称
Predefined	configuration.xml 内で定義されている設定の名称
Match	Predefined の設定内容と、既存設定との一致度。 <b>Perfect</b> なら問 題ない。
Synchronise or Keep as Custom	<b>Synchronise</b> …configuration.xml の定義内容と入れ替え Keep as Custom … これまでの定義内容をそのまま利用

すべて定義後、画面下の「**Import**」ボタンを押します。Importボタンを押すと画面が切り替わります。左側の「Database Manager」->「Databases」に該当する項目の画面です(下図)。

Database Manager Databases (6)	Databa	ses				
Parse rules (15)	Name	Status	New files		Tasks	
Tasks (4)	IPI_human *	In use	Update	Deactivate	1 task in queue	
Settings Tasks (4)	NCBInr *	In use	Update	Deactivate	1 task in queue	
New database	OriginalDB	In use	(no URLs)	Deactivate		
Enable predefined definition	SwissProt *	In use	Update	Deactivate	1 task in queue	
Create new	cRAP	Offline	(no URLs)	Activate		
Synchronise custom definitions	EST_human *	Offline	Download	No local FASTA file	a 1 task in queue	
	*) Entries marked with an asterisk are predefined definitions. Predefined definitions file was last updated Tue May 8 17:19:46 2012.					
	Full database status information is available on the database status page.					
	Refresh					

Import ボタンクリック後自動的に表示される「Dtabases」画面

Importボタンを押すと、既存のファイルより公開されているデータベースが新しいかどうか を判定した上で、自動的にデータベースの更新を試みます。この段階で既に既存データベースに 対するMASCOT検索ができる状態になっており、データベースの更新を放置してご利用頂いて も結構です。更新状況を確認したい場合、下記に記す方法で行ってください。

#### 【データベースファイルの自動取得とデータベース更新の進捗を確認する方法】

ver.2.4 よりデータベース更新プログラムは既存のバージョンで動作していたプログラムと は異なる仕組みで動き、これまでのプログラムで使用していたプログラム本体と設定は全く使用 されなくなります。

新たに実行された各データベースの更新プロセスは「Task」として扱われます。Taskの進捗 度合いは下図のように「Tasks」セクションにて確認する事ができます。左側の「Database Manager」-> 「Tasks」をクリックすると、現在実行・実行待ちとなっているTaskが一覧で 表示されます。Taskは「実行待ち」「実行中」「実行終了」の各セクションに分かれて表示さ れています。



Database Manager: Tasks 画面

ファイルダウンロードが終了後、プログラム ms-monitor.exeがダウンロードしたファイル をMASCOT で検索できるようファイル変換を行います。変換状況は、Database Status (Home -> Database Status)で各データベースの更新状況が確認できます。 各データベースの「Filename」項目に、(Database名)\_(バージョンまたは日付).fasta と 表示されています。後部の(バージョンまたは日付)でデータベースの新しさを管理してください。

<
4 logical, 1 physical Intel processors (hyper-threading enabled, dual core). CPUs: 0 123 available, using: 0 123. [0 searches running] Search log monitor log error log Error message descriptions Do not ダウンロード後のファイル変換
作業進捗を確認する場合 Name = <u>IPI human</u> Family = C:/inetpub/mascot/sequence/IPI_human/current/IPI_human_*.fasta Filename = IPI_human_3.87x.fasta Pathname = C:/inetpub/mascot/sequence/IPI_human/current/IPI_human_3.87x.fasta Status = In use <u>Statistics</u> State Time = Tue May 08 17:19:05
Neme - NCBInr
Filename = NCBInr_20120508.fasta Pathname = C:/inetpub/mascot/sequence/NCBInr/current/NCBInr_20120508.fasta <u>Statistics</u> <u>Compression warnings</u> <u>Unidentified taxonomy</u> State Time = Wed May 08 04:22:19  # searches = 0 Mem mapped = YES Request to mem map = YES Request unmap = NO Mem locked = NO Number of threads = 4 Current = YES
Name = <u>SwissProt</u> Family = C:/inetpub/mascot/sequence/SwissProt/current/SwissProt_*.fasta Filename = SwissProt_2012_03.fasta Pathname = C:/inetpub/mascot/sequence/SwissProt/current/SwissProt_2012_03.fasta Status = In use <u>Statistics Unidentified taxonomy</u> State Time = Tue May 08 17:19:05
Name       = OriginalDB       Family       = C:/inetpub/mascot/sequence/OriginalDB/current/OriginalDB_*.fasta         Filename       = OriginalDB_20120507.fasta       Pathname = C:/inetpub/mascot/sequence/OriginalDB/current/OriginalDB_20120507.         Status       = In use       Statistics         State Time = Tue May 08 17:19:05 # searches = 0         Mem mapped = YES       Request to mem map = YES         Request to mem = YES       - YES         Number of threads = 4       Current = YES
4

Database Status 画面:構築中のデータベース

図例のNCBInrのように、2つの日付のデータベースが表示されているケースがあります。 「Filename」項目と「Status」項目を見比べてください。例図では、日付が20120502のStatus 項目は「Not in use」となっています。一方より新しい20120508の方は「In use」となってい ます。これは20120502の方は既に使用されておらず、新しい20120508の方が現在使用可能と なっている事を表しています。

Name = <u>NCBInr</u> Family = C:/inetpub/mascot/sequa <del>Floname = NCBInr_201</del> 20502.fasta Pathname = C:/inetpub/mascot/sequ Status = Not in use <u>Statistics</u>	向一 DB で複数表示の場合、
Near House - Heu may of 04:22:19 # searches = 0 Mem mapped = NO Request to mem map = YES Request unmap = NO Mem lo Number of threads = 4 Current = NO	Status が「In Use」になって
Name = <u>NCBInr</u> Family = C:/inetpub/mascot/seque <u>NCBInr</u> Family = C:/inetpub/mascot/seque Status = In use Statistics Compression we	いる方が現在使用可能 uence/NCBInr/current/NCBInr_20120508.fasta
State Time = He May 30 04:22:19	locked = NO

【ネットワークご利用時Proxyサーバーをご利用のお客様のみ:Proxyサーバーの設定】

自動更新プログラムの設定には、Proxy サーバーの設定が必要です。詳細は Section 別設定内容:: Settings Section の「プロキシ設定」(P. 14) をご覧ください。

□ Database Manager 最初の設定 【ver. 2.4 新規インストール時】

インストール後、使用するデータベースについて、初期登録されている SwissProt の設定を 確認し、MASCOT 側で設定が定義されているデータベースから使用したいものを選ぶ操作が必 要となります。データベースの環境設定を行う画面へアクセスするためには MASCOT のライセ ンス登録後 Web ブラウザで Home → Configuration Editor → Database Manager を開き ます。

Home		
Wal	lcomo	
we	lcome	
This s	site features <mark>Mascot</mark> , a pov	werful search engine that uses mass spectrometry data to identify
prote	ins from primary sequence	e databases. To assist you, the help text for Mascot forms a
SUDSU	antial knowledge base col	ncerning protein identification by MS.
If this	s is your first visit, please o	check for browser compatibility and read the small print. If you include
result	ts from Mascot in a publica	tion, please cite either www.matrixscience.com or Electrophoresis.
20(	Mascot configuration - Mozilla	i Firefox
See	ファイル(E) 編集(E) 表示(⊻) №	履歴(S) ブックマーク(B) ツール(I) ヘルプ(H)
300	Matrix Science Masc	ot config × 🦳 Mascot SearchLog 💭 Mascot search st 🗍 Mascot configura 🕂 🕂
Mas		
whic	← → <b>1</b> <u>mtc07/ma</u>	iscot/x-cgi/ms-config.exe ☆ ♥ Ĉ 🛛 🏹 🗸 Google 🔎
pron	🖻 よく見るページ 🔮 Firefox をf	使いこなそう 🔊 最新ニュース
secu	Mascat Configura	tion
	Mascot configura	
1	Elements	Element masses
1	Amino Acids	Amino Acid Data
1	Modifications	Modification definitions
	Symbols	Symbols used in chemical formulae
Whe	Enzymes	Enzyme definitions
to th	Instruments	Fragmentation Rules
serv	Quantitation	Quantitation Methods
Ma	Contrativation Dibtions	Giobal Options in mascot.dat Sequence databases, Barse Pules and automated downloads
ма	Database Manager	Sequence databases, Parse Rules and automated downloads
Your	http://mtc07/mascot/x-cgi/db_r	nanager.pl
Datab	View the c	aguance databages. Links to databage statistics, search status
	log files	rsequence databases. Links to database statistics, search status,
Searc	th Log	Home -> Configuration Editor -> Database Manager
	A tabular view of the sea	
Confid	guration Editor	
	Browser-based configura	tion editors, including security administration and sequence
	database management.	

インストール後最初にDatabase Managerを開くと、以下のように初期設定画面が現れます。 ver. 2.4 では、公開データベースの設定に関してParse Rule をはじめとする各種項目がXML ファイル configuration.xml (ローカルサーバーのconfigフォルダ内)にまとめられており、 弊社公開サイト www.matrixscience.com においてもそのファイルを公開しています。 Database Manager の最初の設定では、各データベースの設定に関して、これまで利用してい た各設定項目をそのまま継続して利用する(Keep as Custom)か、それとも configuration.xml ファイルの設定を適用し、以降も定期的に変更がないかチェックし続ける (Synchronise)かを選択します。SwissProtに関しては最適設定が自動的に選ばれているため、 そのままパラメータを変更することなく「Import」を押します。(但しID部分を変更したい場 合はその限りではありません)

	calhost/mascot	Iscot se 🧉 Matrix Sc 🧉 Mascot c 🧔 Mascot 🗙 🏠 🛧 🌣	
Mascot D	atabase Manag	ger Configuration Import	
Note: Please disable oth	er programs and scripts that cor	nfigure or update sequence databases before continuing.	
Database Manager c files.	an keep your sequence databas	se configuration up to date and schedule the download of new	
If you choose to use you do not wish to u	Database Manager, you should se Database Manager now, plea	I not edit mascot .dat in future, because your changes will be lost. If ase return to the Configuration Editor.	
Database Manager h	as two kinds of database definit	tions:	
<ol> <li>Predefined database definition: Automatic configuration by downloading up-to-date information from the Matrix Science website.</li> <li>Custom database definition: Manually maintained configuration.</li> </ol>			
You can choose to keep the existing definition (Keep as Custom) or synchronise with a predefined definition (Synchronise). Synchronisation means the predefined database definition will be applied, and the database files (FASTA, reference, taxonomy) will be updated.			
If you do not want to update the files now, choose Keep as Custom. You can synchronise at any time in the future by choosing Synchronise Custom Definitions from the Database menu.			
Existing	Predefined	Match	
SwissProt	SwissProt	perfect Synchronise 💌	
Import database cor	figuration by choosing Import.		
Import	通常はパラメータを変更する	ことなく「Import」	

Database Manager 初期設定画面

確認後、画面下の「**Import**」ボタンを押します。Importボタンを押すと画面が切り替わりま す。左側の「Database Manager」->「Databases」に該当する項目の画面です(次頁図)。

Http://loca	lhost/mascot ♀ ▾ ♥ ⊘ Masco ⊘ Matrix ⊘ Masco ⊘ Ma ×	_ □ — × — <i>⊘</i> Masco
Database Manager Databases (1) Parse rules (6) Tasks (1) Settings New database Enable predefined definition Create new Synchronise custom definitions	Name       Status       New files         SwissProt       In use       Update       Deactivate       Downloading (42.29)         *) Entries marked with an asterisk are predefined definitions. Predeflast updated Fri Jun 1 16:32:43 2012.       Full database status information is available on the database status         Refresh	Downloading <ftp: ftp.ncbi.nih.<br="">taxonomy/taxdump.tar.gz&gt; (try kB/s (9.84 MB/21.27 MB, 16s rep page.</ftp:>
http://localhost/mascot/	x-cgi/db_manager.pl?sub=tasks	

Importボタンを押すと、既存のファイル(DVD内)よりインターネットに公開されているデー タベースの方が新しいかどうかを判定し、自動的にデータベースの更新を試みます。この段階 で既に既存データベースに対するMASCOT検索ができる状態になっていますので、データベー スの更新は放置して以降の動作確認のステップへ移行してください。更新状況は後述する確認 方法で進捗をチェックしてください。

```
【ネットワークご利用時Proxyサーバーをご利用のお客様のみ:Proxyサーバーの設定】
```

自動更新プログラムの設定には、Proxy サーバーの設定が必要です。詳細は Section 別設定内容:: Settings Section の「プロキシ設定」(P. 14) をご覧ください。

#### 【SwissProt以外のデータベースファイルを使用可能にする方法】

DVD 内に準備されている検索用データベースは SwissProt のみですが、MASCOT 用のデ ータベースとしてはその他にも公開されているデータベースや、ご自身で作成されたデータベー スを使用する事ができます。

データベースを追加・使用する方法については、Section 別設定内容:: Database Manager Section(P. 22)をご覧ください。

## Section 別設定内容 :: Settings Section

Settings 項目では大きく分けて以下の4項目の設定変更が可能です。



Settings セクション画面へは、画面左側の「Database Manager」- 「Settings」をクリックします。

🔶 📀 🥖 http://mtc	20/mascot/x-cgi/db_manager.pl		空白 合 🛧 🌣
× Google	▼ 3 検索 ・ グ デスクトッン	「□ · M · Ø 詳細 »     「	■ ログイン 瀺・
👍 🥭 Matrix Science - H	ome 🐄 Yahoo! JAPAN 🧿 私のPogoplug 🎍 国土女	通省道路局 渋滞	
Database Manager Databases (7)	Databases		
Parse rules (16)	Name Status New files	Tasks	
Settings	IPI_human * In use Update Deactiva	te (success) [Tue May 8 19:08:17 2012]	
Jeccings	IPI_mouse * In use Update Deactiva	te (success) [Wed May 9 10:44:27 2012]	
	NCBInr * In use Update Deactiva	te (success) [Wed May 9 17:28:11 2012]	
[Settings]	OriginalDB In use (no URLs) Deactiva		
Create new	SwissProt In use Opdate Deactiva	te (success) [wed May 9 03:17:26 2012]	
Synchronise custom	cRAP Offline (no URLs) Activate		
definitions	EST_human * Offline Update Activate	(success) [Tue May 8 19:07:05 2012]	
") Entries marked with an asterisk are predefined definitions. Predefined definitions file was last updated Tue May 8 17:19:46 2012.			
	Full database status information is available o	n the database status page.	
	Refresh		
			100% -
			- 200 /0 .

Settingsの画面は、上から順に、

「MASCOT Server のInternet 接続の可否」「MASCOT Server の 外部プログラムへの接続の可否」、

			×
- A line //mtc	20/mascot/x-cgi/db_manager.pl?sub=settings $\mathcal{O} \star \mathcal{O} \star$ @ Mascot Database Manag x	<b>î</b> î	× 🛱
× Google	▼ 🎒 検索・・ 🧭 🔃 - M - 🖉 🚺 デスクトップ ニュース・メール 地図 カレンダー 😭 詳細 ≫ 🤇 🗺	ログイン	い 設定
👍 🧃 Matrix Science - H	ome 🏆 Yahoo! JAPAN 💿 私のPogoplug 🍚 国土交通省道路局 渋滞		
			^
Database Manager Databases (7)	Mascot Database Manager Settings		
Parse rules (16) Tasks (0)	Internet access settings		
Settings	Allow Internet access?		Е
Settings	Database Manager may access the Internet for two purposes:		
Proxy settings	<ol> <li>Download the latest configuration information from the Matrix Science website.</li> <li>Download new database files.</li> </ol>		
	If the Mascot Server machine has no Internet connection, or if you do not wish Database Manager to access the Internet, this behaviour can be disabled.		
	Internet access is enabled.		
	Changing this setting will take effect immediately. Update tasks that are currently running will be allowed to continue until they are done.		
	Disable		
(	Allow external full-text reports?		
	By default, if a database definition has an external full-text report source (an external URL), Mascot report scripts wil download and display the extra data when protein details are viewed. This behaviour can be disabled.	I	
	External full-text report access is enabled.		
	Changing this setting will take effect immediately for all active and inactive database definitions.		
	Disable		
		<b>a</b> 100%	· ·

Settings 画面上部

並びに「プロキシ設定」「配列データベース格納位置の設定」に関する項目やリンクのボタン が並んでいます。



Settings 画面下部

## □ MASCOTサーバーのインターネットへの接続許可 【Internet access settings】

MASCOT では 主にデータベースファイル取得や、databaseの定義ファイルのチェックのた めインターネットに接続します。インターネットへの接続を希望しない場合、【Internet access settings】項目で設定を変更し切り替える事ができます。

Internet access settings
Allow Internet access?
Database Manager may access the Internet for two purposes:
<ol> <li>Download the latest configuration information from the Matrix Science website.</li> <li>Download new database files.</li> </ol>
If the Mascot Server machine has no Internet connection, or if you do not wish Database Manager to access the Internet, this behaviour can be disa
Internet access i <mark>s enabled.</mark> ←現在の設定内容
Changing this setting will take effect immediately. Update tasks that are currently running will be allowed to continue until they are done.
Disabe ←設定の切り替え

# MASCOT Server の 外部プログラムへの接続の可否 [Allow external full-text reports?]

MASCOT の結果画面の中で、タンパク質の詳細情報を表示する箇所があります。詳細情報は ローカルコンピュータにダウンロードされたファイルから取得する場合と、外部のサーバーから 取得する場合があります。詳細情報を得るためにヒットタンパク質の情報を外部サーバーへ投げ る事を好まない場合、【Allow external full-text reports?】項目で設定を変更する事ができま す。

Allow external full-text reports?
By default, if a database definition has an external full-text report source (an external URL), Mascot report scripts will download and display the extra data when protein details are viewed. This behaviour can be disabled.
External full-text report access i enabled.
Changing this this that the first in the first interview of all active and inactive database definitions.
Disable

#### □ Proxyサーバー設定 [Proxy settings]

前述の通り、MASCOTではデータベースファイル取得や、databaseの定義ファイルのチェックのためインターネットに接続しますが、使用しているネットワーク環境によってはProxyサーバー経由でないとインターネットへ接続できない事があります。【Proxy settings】項目ではProxyに関する設定を行います。

設定画面には、【Proxy settings】項目内の、「Edit proxy settings」を選択します。

Proxy settings		
You may need to define proxy settings to enable Database Manager to access the Internet, depending on your local network and Internet connection.		
HTTP proxy strategy:		
<ol> <li>Try Database Manager proxy settings (currently no proxy settings defined).</li> <li>Try mascot.dat settings (currently no proxy settings defined).</li> <li>Try proxy settings defined in the system environment (currently no proxy settings defined for CGI scripts).</li> <li>Direct connection without proxy.</li> </ol>		
URL test <b>succeeds</b> ; Database Manager can access http://www.matrixscience.com/downloads/databases_1.xml from the Mascot server machine.		
Edit proxy settings」 プロキシ設定は「Edit proxy settings」		

プロキシサーバーの設定画面へ移動します(次頁図)。画面が開く際に既に接続テストが行われており、設定が適切でファイル

http://www.matrixscience.com/downloads/databases 1.xml

にアクセスできると「Succeeds」と表示します。

設定画面では Proxy サーバーのアクセス先、ポートに加え、必要があればユーザー名やパス ワードを入力する箇所があります。また、HTTPだけでなくFTP についても設定する箇所があ ります。



Proxy Settings 画面

# □ Sequence フォルダデフォルト設置箇所設定 [Sequence directory settings]

MASCOT で使用するデータベースのファイルはファイル容量が大きく、しばしばファイルの 置き場所に問題が生じる事があります。ファイルの置き場所を変更するには、【Sequence directory settings】の項目を書き換え、設定を適用するため「Set」ボタンを押してください(下 図)。

Sequence directory settings		
Sequence databases are usually stored in a single sequence directory. The default path is <i>C:/inetpub/mascot/sequence</i> , but this can be changed below.		
Note that you can always change the sequence directory for individual database definitions when creating a new		
Sequence directory: C:/iretpub/mascot/sequence		
(If you leave the value empty, it will be reset to the default path.)		
Set ←設定更新の適用		

### Section 別 設定内容 :: Database Manager Section

databases セクションでは、以下の内容の設定変更を行うことができます。



【新規データベース追加作業におけるこれまでのバージョンとの変更点】

ver.2.3までは、新規データベースの構築時に必要な、FASTAファイル内先頭行から特定のル ールでID部分を抜き出す「抜き出しルール」の記述がコンピューターに慣れていない方にとっ て難しく、この件で多くのお問い合わせがありました。また、公開データベースのファイルフォ ーマットやファイルの保存場所が不定期に変わる事があり、トラブルの要因の1つでした。

新バージョンではこれらの点に関する改善が行われました。まず、IDの抜き出しルール選択 について、選択時にMASCOT側が候補となるルールを提示して、ユーザーが最適な項目を選ぶ だけで良いようにしました。また、弊社が管理するサーバー上でデータベースの設定ファイルを 公開し、ユーザー側のMASCOTが定期的に弊社サーバーの設定ファイルの中身をチェックする 仕組みを採用しました。これによりフォーマットやファイルの置き場所が変わり設定の変更の必 要が生じた場合、適切に書き換えられた設定内容をユーザー側のMASCOTにも自動的に対応さ せるようになりました。さらに、これまでWindowsのTask機能を使って実施していたデータベ ースの自動更新を、このセクションの中で設定・実行できるようにいたしました。 【データベース追加作業の変更点・まとめ】

- O MASCOTが自動的に最適な抜き出しルールの候補を挙げてくれる。ユーザーは候補から選択するだけでよい。
- アータベースの抜き出しルール・ダウンロード先に変更がないか自動的・定期的に確認をし、必要に応じて自動的に変更させる事ができる。
- データベース自動更新の日時・頻度を設定できる

以下、Databases Manager Sectionで行う事のできる設定について、小セクションごとにま とめています。

# □ 使用データベースのON/OFF、データベースファイルの取得(更新) 【Databases section】

Database Manager の最初の画面、または左フレームの一番上、「Database Manager」-「Databases」をクリックすると現れる画面で、現在ピックアップ中のデータベースの一覧が 表示されます。



Databases セクションでは、使用するデータベースの選択やデータベースファイルの更新を 行う事ができます。

使用状况	
Databases	/ DB 更新 / Active /Deactive 切替
Name Status	vew files Tasks
IPI_human  🔭 In use	Update Deactivate (success) [Tue May 8 19:08:17 2012]
IPI_mouse  🛔 In use	Update Deactivate (success) [Wed May 9 10:44:27 2012]
NCBInr 🔭 🛔 In use	Update Deactivate (success) [Wed May 9 17:28:11 2012]
OriginalDB In use	(no URLs) Deactivate 線上部は"Active"
OriginalDB3 In use	Update Deactivate
SwissProt 🔹 In use	Update Deactivate (success) [Wed May 9 03:17:26 2012]
cRAP Offline	(no URLs) Activate
EST_human * Offline	Update Activate (success) [Tue May 8 19:07:05 2012]
*) Entries marked with a was last updated Tue M	an asterisk are predefined d 線下部は"Deactive" ons file lay 8 17:19:46 2012.
Full database status inf	ormation is available on the database status page.
Refresh	*は MASCOT 側が設定を
	進備している DP " Prodefined"
Name	Status
IPI_huma	n * In use
IPI_mous	e * In use
NCBInr	* In use
OriginalDI	3 In use
OriginalD	33 In use
SwissPro	t 🔭 In use

各データベースの名称部分のハイパーリンクをクリックすると、該当データベースの設定やバ ージョン、ファイル取得の状況についてより詳しく見る事ができます(次頁図)。



Databases 個別データベース設定画面

マトリックスサイエンス株式会社

各種ページにある「**Update**」または「**Update database now**」 ボタンを押すと、データ ベースファイルの更新がその場でスタートします。スタートすると「Update」のボタンが押せ なくなり、Taskとして進捗度合いが画面に表示されます。

\* ネットワークにて Proxy サーバーをご利用されている場合、Database Manager ペー ジで Proxy サーバーの設定が必要です。設定方法について詳しくは Section 別設定内容:: Settings Section の「プロキシ設定」(P.14) をご覧ください。



# □ データベースファイルの定期的な自動取得・更新設定【databases section】

前述の、各データベースの設定確認画面にある「Edit Schedule」を押すと、該当データベースの取得を定期的に行うための設定画面が現れます。

設定は、毎日<Daily>、毎週<Weekly>、毎月<Monthly>の3種類があります(次頁図)



Databases 個別データベース Edit Schedule 画面

マトリックスサイエンス株式会社

□ 新規データベースの追加【databases section】

MASCOTの検索対象となるデータベースを追加する方法には、以下の4つの方法があります。

【新規データベースを追加する4つの方法と主な対象データベース】

- 1. すべての設定がひとまとめになったセット 【predefined database definition】を、ファイル設置場所以外変更せずそのまま使用(データ ベースの名前も変更できない)
- → SwissProt, NCBInr, IPI の他、NCBI の EST, EMBL の EST や IPI, trembl などの利用を想定
- 2. 上記項目1の「predefined definition」を使用するが、名前のみ編集 して利用 【template 利用】
- → 1 でリストアップされたデータベースと種類は同じだが、既成のもの と名前を変えたり、(taxonomy 抜き出しなど)データベース側に何らか の選別処理を施した後に利用したい場合などを想定

3. 既に使用しているデータベースのフォーマットを使用し、名前のみ編 集して利用【copy利用】

→ predefined のリストからでなく、既に使用中のデータベースから選 択。既存データベースのバージョン違いを作成する場合などを想定

4. 完全に自分で各設定を記入・選択 【Custom】

→ 1~3以外、自分で作成した FASTA ファイルなどの利用を想定

【1.すべての設定がひとまとめになった組み合わせ【predefined database definition】を使用】

MASCOT 側で既に設定方法を準備しているいくつかのデータベースについて、面倒な設定を 行わずそのまま利用する時には Predefinited database definition を利用します。predefined definition が準備されているデータベースは以下の通りです。

● contaminants / cRAP … コンタミ、または生体内に頻出するタンパク質。

- XXXX\_EST EMBL にあるEST データベース。詳細は http://www.matrixscience.com/help/seq\_db\_setup\_EMBLEST.html をご覧ください。
   ◆リスト> Environmental\_EST, Fungi\_EST, Invertebrates\_EST, Mammals\_EST, Mus\_EST, Plants\_EST, Prokaryotes\_EST, Rodents\_EST, Unclassified\_EST, Vertebrates\_EST
- EST\_YYYY NCBI にあるEST データベース。詳細は <u>http://www.matrixscience.com/help/seq\_db\_setup\_EST.html</u> をご覧ください。 <リスト> EST\_human, EST\_mouse, EST\_others
- IPI\_ZZZZ IPIデータベース。(2011年で更新が止まっています) <リスト> IPI\_arabidopsis, IPI\_bovine, IPI\_chicken, IPI\_human, IPI\_mouse, IPI\_rat, IPI\_zebrafish

NCBInr

Trembl

- SwissProt
- UniRef100

「Predefined database definition」を使ってデータベースを追加する設定画面へアクセス するには、左フレームの「New database」- 「Enable predefined definition」をクリック します(下図)。

🗲 🔿 🍘 http://mtc20/mascot/x-cgi/db_manager.pl?sub=dbs 🖉 🗸 🖉 🖉 🖉 🖉 🏹 🖉 Mascot c 🏈 Mascot c	* ¤
	2
····································	ERAE
	A
Database Manager	
Databases (8) Databases	
Parse rules (16) Name Status New files Tasks	
Tasks (0)         IPI_human * In use         Update         Deactivate         (success) [Tue May 8 19:08:17 2012]	
Settings IPI_mouse * In use Update Deactivate (success) [Wed May 9 10:44:27 2012]	
New database NCBInr * In use Update Deactivate (success) [Wed May 9 17:28:11 2012]	
Enable predefined OriginalDB In use (no URLs) Deactivate	
definition OriginalDB3 In use Update Deactivate	=
Create new SwissProt * In use Update Deactivate (success) [Wed May 9 03:17:26 2012]	
definitions CDAD Offling (couple) Activity	
(success) [Tue May 8 19:07:05 2012]	
17:19:46 2012.	0
Full database status information is available on the database status page.	
Refresh	
€ 100	× ×

使用したいデータベースを選んで、「Enable」ボタンを押します。

← → Mttp://localhost/mascot ♀ ♂ ×	🤗 Matrix S 🤗 Mascot 🥖 Mascot 🛛 🏠 🛣
definitions EST_human	Enable Already set up as EST_human.
EST_mouse	Enable
EST_others	Enable
Fungi_EST	Enable
Human_EST	Enable
Invertebrates_EST	Enable
IPI_arabidopsis	
IPI_bovine	
IPI_chicken	Enable
IPI_human	Enable Already set up as IPI_human.
IPI_mouse	Enable
IPI_rat	Enable
IPI_zebrafish	Enable
Mammals_EST	Enable
Mus_EST	Enable

Enable predefined definition 画面

配列データベースファイルの置き場所を「Sequence directory」で確認し、必要があれば変更します。確認後、「Create」ボタンを押します。



データベースの定義に関するSummaryが表示されます。この段階で既に該当データベースが MASCOTにて使用対象のデータベースとして認識されると同時に、データベースファイルの取 得を試みています。データベースの取得状況を確認したい場合は、ハイパーリンクの「the task queue」をクリックします。



マトリックスサイエンス株式会社

データベースダウンロードの進捗状況が表示されます。



Database Status に表示され、Status が "In Use"となれば終了です(下図例は IPI\_mouse)。

A 14	- • ×
🖉 🖉 http://mtc20/mascot/x-cgi/ms-status.exe	th ★ ⊅
× Google - ♥ . ► ▼ . ■ . 詳細 >	
🍰 🥙 Matrix Science - Home ফ Yahoo! JAPAN 🧕 私のPogopiug 坐 国土交通省道路局 渋滞 🌏 地震情報 - 日本気象協会	
MASCOT search status page	
Version: 2.4.0 - mskk (TUWG-A37E-HVYY-86F4-S2GB) Licence Info	=
4 logical, 1 physical Intel processors (hyper-threading enabled, dual core). CPUs: 0 123 available, using: 0 123. [0 searches running]	
Search log monitor log error log Error message descriptions Do not auto refresh this page	
Name = <u>IPI human</u> Family = C:/inetpub/mascot/sequence/IPI_human/current/IPI_human_*.fasta Filename = IPI_human_3.87x.fasta Pathname = C:/inetpub/mascot/sequence/IPI_human/current/IPI_human_3.87x.fasta Status = In use <u>Statistics</u> State Time = Tue May 29 10:59:57 # searches = 0 Mem mapped = YES Request to mem map = YES Request unmap = NO Mem locked = NO Number of threads = 4 Current = YES	
Name = IPI mouse Family = C:/inetpub/mascot/sequence/IPI_mouse/current/IPI_mouse_*.fasta	
Status = In use <u>Statistics</u> Statistics	
Mem mapped = YES Request to mem map = YES Request unmap = NO Mem locked = NO	
Na Status J. J. In USE J. A. D. UN nce/NOBInr/current/NOBInr *.fasta	-
	🔍 100% 🔻 💡

Database Status 画面

【2. predefined definitionを利用するが、名前のみ編集して利用 【template利用】】

template 利用は、predefined definitionと全く同じ抜き出しルールなどのフォーマットを使い、名前だけ変えたい場合に利用する方法です。例えば2011年で更新が止まったIPIデータベースの代わりに、既存のIPIも含まれるuniprot データベースから特定生物種のみを抜き出したデータベースを作成して代わりに使う、といったケース等を想定しています。

例では、uniprot から生物種を抜き出して利用する方法を例に設定をご紹介します。

◇ uniprotからtaxonomy;humanを抜き出してFASTAファイルにする方法

データベース設定から少し話がそれますが、ユーザーからのニーズが高い、uniprotから特定生物種のエントリーだけを抜き出してFASTAファイルにする方法も併せてご紹介します。

抜き出したい生物種のTax ID を確認。Tax ID はMASCOTの生物種設定でも採用しているNCBIのtaxonomy ID です。調べたい場合は以下のサイトでフリーワード検索をして番号をお確かめください。

http://www.ncbi.nlm.nih.gov/taxonomy

Tax ID 例) Mus musculus: 10090, rattus norvegicus: 10116 など。

- uniprot のサイト <u>www.uniprot.org</u>へアクセス
- ・ キーワード organism:TAX ID と "complete proteome" で検索 (次頁図)

例) organism:9606 complete proteome



NCBI, Taonomy Browser <u>http://www.ncbi.nlm.nih.gov/taxonomy</u>

検索後、2012年5月30日時点で70663件のエントリーがヒットします。うちアノテーションがついているSwissProtのエントリーが20240件です(下図)。FASTAファイルを入手するには、右上の「Download」をクリックします。

in UniPro organism:9606 complete proteome in UniPro	tKB - Mozilla Firefox			
ファイル(E) 編集(E) 表示(V) 履歴(S) ブックマ	マーク( <u>B</u> ) ツール(I) ヘルプ( <u>H</u> )			10.0
💭 organism:9606 complete proteome 🕇	a spine Nersel (1997) 1 100 Support Complex printed	The substitute of the same lines.	and the second	Concession in the
www.uniprot.org/uniprot/	?query=organism%3A9606+complete+proteome&sort=score		☆ マ 😋 🚼 - Google	
🧕 よく見るページ 🥹 Firefox を使いこなそう 🔜	最新ニュース			
UniProt > UniProtKB			タワンロー	ドホタン
Search Blast	Align Retrieve ID Mapping *	_	_	
Search in Que	ery		Download	_
Protein Knowledgebase (UniProtKB) • org	anism:9606 complete proteome Search Advanced Se	arch » Clear	DOwrhoau	
1 - 25 of 70,667 results for organism:"Home	o sapiens (Human) [9606]" 🗵 AND complete 🗵 AND protec	me 🗵 in UniProtKB sorted by sc		
Browse by taxonomy, keyword, gene ontology	y, enzyme class or pathway   🗍 Reduce sequence redundancy to 1	00%, 90% or 50%		Download
up.			Page 1	of 2,827   Next »
Desults (				
Results Customize				
> Show only reviewed (20,240) 🚖 (UniProtKB/	'Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) 🚖 (UniProtKB/TrEMBL) entri	es		
> Show only reviewed (20,240) * (UniProtKB/ > Restrict term "complete" to keyword (70,66	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) 🗯 (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1)	55		
<ul> <li>Show only reviewed (20,240) (UniProtKB/</li> <li>Restrict term "complete" to keyword (70,66)</li> <li>Restrict term "proteome" to keyword (70,66)</li> </ul>	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) 🚖 (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3)	55		
> Show only reviewed (20,240) * (UniProt(B/ > Restrict term "complete" to keyword (70,66 > Restrict term "proteome" to keyword (70,66 > Expand search to "Homo sapiera (Huma) (2) > Show only entries from a complete proteome.	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) = (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 306) <sup>°</sup> to include lower taxonomic ranks 105 (70,630)	55		
> Show only reviewed (20,240) (IniProtKB/ > Restrict term "complete" to keyword (70,66 > Restrict term "proteome" to keyword (70,66 > Expand search to "Homo sapiera (Huma) (9 > Show only entries from a complete proteom > Show only entries from a reference proteom	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 306) <sup>°</sup> to include lower taxonomic ranks a set (70,663) set (70,663)	25		
> Show only reviewed (20,240) ★ (UniProt(B/ ) Restrict term "complete" to keyword (70,66 ) Restrict term "proteome" to keyword (70,66 ) Expand search to "Homo sapiens (Human) [96 ) Show only entries from a complete proteome ) Show only entries from a reference proteom	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) = (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 3) 3060° to include lower taxonomic ranks a set (70,663) 4 4 5 5 6 6 6 7 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 7 7 7 8 8 7 7 7 8 7 7 7 8 8 7 7 7 8 7 7 8 7 7 8 7 7 8 7 7 8 7 7 8 7 8 7 7 8 8 7 8 7 8 8 7 8 7 8 7 8 7 8 7 8 7 8 8 9 8 8 7 8 9 8 7 8 9 8 9	25	Occasion	≜ Leneth
> Show only reviewed (20,240) ★ (UniProt(B/) > Restrict term "complete" to keyword (70,66) > Restrict term "proteome" to keyword (70,66) > Expand search to "Homo sapiere (Human) [96 > Show only entries from a complete proteome > Show only entries from a reference proteome	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) = (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 3060° to include lower taxonomic ranks a set (70,663) Catcineur in - like phosphoesterase domain-conta.	دی Gene names CPPED1 CSTP1	<b>○ Organism</b> Homo saoiens (Human)	↓ Length 314
> Show only reviewed (20,240) ★ (UniProt(B/ > Restrict term "complete" to keyword (70,66 > Restrict term "proteome" to keyword (70,66 > Expand search to "Homo sepiere (Human) [94 > Show only entries from a complete proteome > Show only entries from a reference proteome > Show only entries from a reference proteome	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 306) <sup>4</sup> to include lower taxonomic ranks a set (70,663) <sup>6</sup> Protein names Calcineurin-like phosphoesterase domain-conta Erythrocyte band 7 integral membrane protein	es Gene names CPPED1 CSTP1 STOM END7 EPB72	Orεanism Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human)	Length 314 288
<ul> <li>&gt; Show only reviewed (20,240) ★ (UniProtKB/ &gt; Restrict term "complete" to keyword (70,66 &gt; Restrict term "proteome" to keyword (70,66 &gt; Expand search to "Homo sapiene (Human) (R &gt; Show only entries from a complete proteome &gt; Show only entries from a reference proteom</li> </ul> MissProt デーク数 <ul> <li>© 067680</li> <li>HM+B1 HUMAN</li> <li>★</li> </ul>	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 306] <sup>7</sup> to include lower taxonomic ranks e set (70,663) e set (70,663) Fortein names Calcineurin-like phosphoesterase domain-conta Erythrocyte band 7 integral membrane protein Minor histocompatibility protein HB-1	SS Gene names CPPEDI CSTP1 STOM BND7 EPB72 HMHB1	© Organism Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human)	<ul> <li>Length</li> <li>314</li> <li>288</li> <li>41</li> </ul>
Show only reviewed (20,240) ★ (UniProtKB/ Restrict term "complete" to keyword (70,66 Restrict term "proteome" to keyword (70,66 Expand search to "Homo sapiere (Human) (94 Show only entries from a complete proteome Show only entries from a reference proteom WissProt デーク数	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 306) <sup>11</sup> to include lower taxonomic ranks a set (70,663) <sup>2</sup> Protein names Calcineurin-like phosphoesterase domain-conta Erythrocyte band 7 integral membrane protein Minor histocompatibility protein HB-1	Gene names     GPPED1 CSTP1     STOM BND7 EP972     HMHB1	Coreanism Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human)	<ul> <li>Leneth</li> <li>314</li> <li>288</li> <li>41</li> <li>00</li> </ul>
<ul> <li>&gt; Show only reviewed (20,240) ★ (UniProttB/ &gt; Restrict term "complete" to keyword (70,66)</li> <li>&gt; Restrict term "iroteome" to keyword (70,66)</li> <li>&gt; Show only entries from a complete proteome</li> </ul>	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) * (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 306) <sup>7</sup> to include lower taxonomic ranks set (70,663) e set (70,663) e set (70,663) e set (70,663) Calcineurin-like phosphoesterase domain-conta Erythrocyte band 7 integral membrane protein Minor histocompatibility protein HB-1 (UniProtKB/Swiss-Prot) or unreview	ss Gene names CPPED1 CSTP1 STOM BND7 EPB72 HMHB1 Viewed (50,427) 🎓 (Uni	Corcanism Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) iProtKB/TrEMBL) ent	Ceneth     314     288     41     tries     62
Show only reviewed (20,240) ** (UniProttB/ Restrict term "complete" to keyword (70,663 Restrict term "proteome" to keyword (70,66 Spand search to "Homo saylens (Human) (04 Show only entries from a complete proteome Show only entries from a reference proteome Show only entries from a reference proteome O97990 Hwt+B1 HUMAN Show only <b>Entries</b> Show only <b>Entries</b> Show only <b>Entries</b> Show only <b>Entries</b> Restrict term "complete" to the second seco	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) * (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 3063' to include lower taxonomic ranks set (70,663) e set (70,663) e set (70,663) Frotein names Calcineurin-like phosphoesterase domain-conta Erythrocyte band 7 integral membrane protein Minor histocompatibility protein HB-1 )) (UniProtKB/Swiss-Prot) or unreview to keyword (70,663), protein name (1)	ss Gene names CPPED1 CSTP1 STOM BND7 EB72 HMHB1 viewed (50,427) 🎓 (Uni	Forceanism Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) iProtKB/TrEMBL) ent	Lensth     314     289     41     tries     700     762
> Show only reviewed (20,240) ** (UniProttB/ > Restrict term "complete" to keyword (70,66 > Restrict term "proteome" to keyword (70,66 > Show only entries from a complete proteome > Show only entries from a reference proteome > Show only entries from a reference proteome         WissProt デーク数         Op7880         HM-HEI HUMAN         Show only reviewed (20,240)         Restrict term "complete" t         Restrict term "proteome" f	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) * (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 3000° to include lower taxonomic ranks set (70,663) Protein names Calcineurin-like phosphoesterase domain-conta Erythrocyte band 7 integral membrane protein Minor histocompatibility protein HB-1 (UniProtKB/Swiss-Prot) or unrevion to keyword (70,663), protein name (1) to keyword (70,663)	Sene names CPPED1 CSTP1 STOM END7 EPB72 HMHB1 Viewed (50,427) 🎓 (United to the seneral se	ProtKB/TrEMBL) ent	Length     314     288     41     500     562
Show only reviewed (20,240) ** (UniProt(EV)     Restrict term "complete" to keyword (70,66)     Repard search or "Homo sapiens (Human) (20)     Show only entries from a complete proteome     Show only entries from a reference proteome     Show only entries from a reference proteome     Show only entries from a complete proteome     Show only entries from a complete proteome     Show only entries from a complete interviewed (20,240)     Restrict term "complete" t     Restrict term "proteome" f     Stay and search to "Homo sapiens" f	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) * (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 3000° to include lower taxonomic ranks set (70,663) e set (70,663) e set (70,663) Fortein names Calcineurin-like phosphoesterase domain-conta Erythrocyte band 7 integral membrane protein Minor histocompatibility protein HB-1 (UniProtKB/Swiss-Prot) or unrevion keyword (70,663), protein name (1) to keyword (70,663) pienes (Human) [9606]" to include lowe	ss Gene names CPPEDI CSTP1 STOM END7 EPB72 HMHB1 riewed (50,427) ★ (Uni r taxonomic ranks	Coreanism Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) iProtKB/TrEMBL) ent	Length     314     288     41     500 tries     62
<ul> <li>&gt; Show only reviewed (20,240) ** (UniProt(5// &gt; Restrict term "complete" to keyword (70,66)</li> <li>&gt; Restrict term "proteome" to keyword (70,66)</li> <li>&gt; Show only entries from a complete proteome</li> <li>&gt; Show only entries from a complete proteome</li> <li>&gt; Show only entries from a reference proteom</li> <li>WissProt デーク数</li> <li>&gt; Correso HM-H31 HUMAN *</li> <li>&gt; Show only reviewed (20,240)</li> <li>&gt; Restrict term "complete" to a spin term "</li> <li>&gt; Restrict term "proteome" to keyword (20,240)</li> <li>&gt; Restrict term "proteome" to keyword (20,240)</li> <li>&gt; Restrict term "complete" to a spin term "</li> <li>&gt; Show only entries from a complete proteome "</li> </ul>	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) * (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 3069" to include lower taxonomic ranks set (70,663) e set (70,663) <sup>5</sup> Protein names Calcineurin-like phosphoesterase domain-conta Erythrocyte band 7 integral membrane protein Minor histocompatibility protein HB-1 1) (UniProtKB/Swiss-Prot) or unreview to keyword (70,663), protein name (1) to keyword (70,663) niens (Human) [9606]" to include lowe pomplete proteome set (70,663)	ss GPPEDI CSTP1 STOM BND7 EPB72 HMHB1 viewed (50,427) ★ (Uni r taxonomic ranks	Portanism Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) ProtKB/TrEMBL) en1	* Leneth 314 288 41 500 tries 562
<ul> <li>Show only reviewed (20,240) ** (UniProt(5/ ) Restrict term "complete" to keyword (70,66) ) Restrict term "proteome" to keyword (70,66) ) Show only entries from a complete proteome ) Show only entries from a complete proteome ) Show only entries from a reference proteom</li> <li>WissProt デーク数</li> <li>Op7980 HM-H3 HUMAN *</li> <li>Show only reviewed (20,240)</li> <li>Restrict term "complete" to &gt; Restrict term "proteome" file &gt; Restrict term "proteome" file &gt; Expand search to "Homo sa &gt; Show only entries from a complete strom a complete strom a safety of the strom a safety of the stromage stromag</li></ul>	Swiss-Prot) or unreviewed (50,427) * (UniProtKB/TrEMBL) entri 3), protein name (1) 3) 3) 3) 3) 3) 3) 3) 3) 3) 3	s Gene names CPPEDI CSTP1 STOM BND7 EPB72 HMHB1 viewed (50,427) 常 (Uni r taxonomic ranks トータルヒッ	Corcanism Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) Homo sapiens (Human) ProtKB/TrEMBL) en1	+ Leneth 314 288 41 500 tries 562

FASTA の項目から、「Download」ボタンを押します。Isoform の扱いをどうするかによりクリックするハイパーリンクが異なるので注意してください。

	••*				
	Search	Blast	Align	Retrieve	
	Search in		Query		
	Protein Knowledge	ebase (UniProtKB) 👻	organism:9606 com	plete proteome	Se
	AND proteome      AND proteome      Download data comp     Limit to 1,000 resul	ramism: nomo sa in UniProtKB sort pressed or uncompro Its	ed by score descendi	ng⊠	ete
	Summary information f Download   Open   Op Excel	rom the result view. pen first 10]			
	Summary information f	rom the result view for e truncated in Excel ve	MS Excel™. <mark>rsions older than 2007 a</mark>	nd in OpenOffice, as i	it contai
	FASTA Canonical sequence da [ Download (40 MB*) ] Canonical and isoform [ Download (40 MB*) ] Cart [ Download (40 MB*) ] Cart [ Download (200 MB*) Flat Text	ata in FASTA format. Open   Open first 10 ] sequence data in FAS <sup>-</sup> Open   Open first 10 ] n GFF format.   Open   Open first 10 ]	FAST Isofo か(上 選んで	「A rm を代表 )、複数に分 で「Downic	の1つのみ出 けて出力するれ pad」ボタン
F <b>ASTA</b> Canonic	al sequence	e data in F <i>i</i>	ASTA forma	it.	
Downle	pad (40 MB <sup>;</sup>	*)   Open	Open first	10]	
Canonic	al and isofo	rm sequen	ce data in F	ASTA for	mat.
Downlo	oad (40 MB <sup>;</sup>	*)   Open	Open first	10]	

<uniprotからtaxonomy;humanを抜き出してFASTAファイルにする方法:おわり>

### ◇ template 利用新規データベース作成例: uniprot\_human データベース作成

Database manager の、左フレーム「New database」-「**Create new**」を選びます。現れ た画面で登録するデータベースの名称を「Database name」に入力し、「**Use predefined definition template**」で「Uniprot proteome template」を選びます。選択後、「Next」を 押します。

Http://mtc20/mascot/x-cgi,	/db_manager.pl	C × @ Matrix S @ Mascot c @ Mascot ×
× Google	- ¥] - · M - 🛐 🏢 -	詳細 » 🛛 🛛 🖓 • 🔌 •
👍 🧃 Matrix Science - Home 🦅 Yahoo	)! JAPAN 🦲 私のPogoplug 실 国土交通	甬省道路局 渋滞 🏽 👻 地震情報 - 日本気象協会
Database Manager Databases (11) Datab	ases	
Parse rules (20) Name	Status New files	Tasks
Tasks (0) Environment	al_EST * In use Update [	Deactivate (success) [Wed May 30 11:23:32 2012]
IPI_bovine	* In use Update	Deactivate (success) [Wed May 30 11:27:15 2012]
New database IPI_human	* In use Update [	Deactivate (success) [Tue May 8 19:08:17 2012]
Enable predefined IPI_mouse	* In use Update I	Jeactivate (success) [Wed May 9 10:44:27 2012]
Create new Original DB		
OriginalDB	Database Manager	
Croate Now	Database Manager	New database definition
· Create Nevy	Databases (11)	
	Parse rules (20)	Database name (?)
	Tasks (0)	
	Settings	Uniprot_Human
		Custom
	New databas	
	Enable prede <b>FUs</b>	se predefined definition template
	definition	
	Create new	Use predefined definition template (?)
	Synchronise custom	
	definitions	
		Next

Databases -> Create New 画面

データベースファイルの置き場所を決め、「Create」を押します。

Database Manager Databases (11)	Custom definition from
Parse rules (20)	predefined definition template
Tasks (0)	•
Settings	Template:
	UniProt_proteome_template
New database	Database name:
Enable predefined definition	Uniprot_Human
Create new	Sequence directory (?)
Synchronise custom	C:/inetpub/mascot/sequence
definitions	Database files will be located in the directory Uniprot_Human in the sequence directory. The new directory will be created if it does not already exist.

この時点ではFASTAファイルを置いておらず、Inactive なデータベースとしてMASCOT側 に登録されます。使用するためには、別途取得したファイルを指定のフォルダに指定のファイル 名に変えてからコピーする必要があります。

(←) @ http://mtc20/mascot/x-cgi/db_manager.pl?sub=dl ♀ ♂ × @ Matr @ Mas ∩ m× h ☆ ☆
🗙 Google 🔹 🛃 🖬 🕅 🕈 🏭 🦉 🖓 🗸 🖬
👍 🧉 Matrix Science - Home ফ Yahoo! JAPAN 🧕 私のPogoplug 🎍 国土交通省道路局 渋滞 🎭 地震情報 - 日本気象協会
Database Manager       Database: Uniprot_Human         Databases (12)       Database: Uniprot_Human         Parse rules (21)       Name         Tasks (0)       Uniprot_Human         Settings       Database type
Uniprot_Human Amino acid (protein database)
Copy Database directory FASTA フア1ル設直場所
Filename pattern     Filename stern       Uniprot_Human_*.fasta     FASTA ファイル名称
No local FASTA file
Database files must be preser Please 1. copy the FASTA file to C 場所にない事を表す;
<ol> <li>rename the file to Uniprot_numan_*.rasta, where the asterisk (*) should be replaced with a timestamp or version string, e.g. Uniprot_Human_20120530.fasta;</li> <li>and referate this asses to continue. Dr. (*)</li> </ol>
Alternatively, the FASTA file can be downloaded from a remote URL.
€ 100% <b>-</b>

上図例の場合、「Database directory」で指定されているフォルダ、つまり

に、ダウンロードしたファイルをコピーし、名称を「Filename pattern」で指定された形に書き換えます。但し名称中の「\*」部分は任意の文字列、例えばダウンロード日などに変更します。

ファイル名変更例) Uniprot\_Human\_20120608.fasta (\*はファイル名に書かない)

ファイル名を変更すると、FASTAファイルが自動的に認識され、「No local FASTA file」の 表記がなくなります。「Activate」ボタンを押せば、データベース構築が開始します。



く参考>

File取得なども含めuniprotからtaxonomy:human のファイルを今後も定期的に自動取得 する場合、FASTA file のURLに以下のように記入すればOKです(2012年6月現在)。但し今 後も同じ操作でファイルが取得できるとは限りません。

ASTA file URL	
http://www.uniprot.org/ur /?query=taxonomy:9606+ANI include=yes	hiprot )+keyword:"Complete+proteome"&force=yes&format=fasta&
eference file URL (?)	
ersion file URL (?)	

【3. 既に使用しているデータベース設定をベースに、必要に応じ一部改変して使用【copy利用】】

copy 利用は、設定ファイル中のテンプレートからでなく、既に利用しているデータベースの 中から設定を選び、名前(と必要に応じてファイル設置場所)を変えてデータベース構築を行い ます。例えば既存データベースのバージョン違いを管理したい場合の利用等を想定しています。

copyを利用してデータベースを新規作成するには、Database Manager において、「New」 Database manager の、左フレーム「New database」-「**Create new**」を選びます(次頁図)。 例では、NCBInr と同じフォーマットで古いファイルを持ち続ける事を想定したデータベース 「CopyNCBInr」を作成します。現れた画面で「Database name」に名称を入力し、「**copy of**」 で「**NCBInr**」を選びます。記入・選択後、画面下の「Next」ボタンを押します。

copy利用の場合、ファイルそのものもフォルダにコピーして名前を変えて利用するかユーザー に訪ねてきます。コピーの必要がない場合は、"don't copy files"を選択し、「Create」ボタン を押します。



Databases -> Create New 画面



マトリックスサイエンス株式会社

#### 【4. 完全に自分で各設定を記入・選択 【Custom】】

1~3 で挙げた設定方法は、名前とファイルの設置場所以外、基本的に変更する事ができません。既存のデータベースのルールで当てはまらない抜き出しルールを適用する必要がある場合、本項目「Custom」を利用します。例では自らFASTAファイル「OriginalDB2」を作成しMASCOT用の検索データベースとして使用するケースを使って紹介します。

Database manager の、左フレーム「New database」-「**Create new**」を選びます(下図)。 現れた画面で「Database name」にデータベースの名称を入力し、「Use predefined definition template」で「**Custom**」を選びます。選択後、「Next」を押します。



Databases -> Create New 画面

データベースの設定画面に移行します。データベースの配列の種類のほか、インターネット上 にあるfastaファイルを自動で取得する設定にしたい場合、「Download database files」を選 び、FASTAファイル、versionファイル、reference ファイルの取得先を記入します。自動取得 でなく、手動で更新または更新する意思がない場合、「I will copy the files to the database directory」を選びます。各項目の選択後、「Create」ボタンを押します(下図)。



まだファイルを所定の場所に置いていないので、ページ内に「No local FASTA file」と表示 されます。検索対象のFASTAファイルを、「ファイル設置場所」に、ファイル名を「ファイル 名称」に合わせた形に変更してコピーします。

Http://mt	tc20/mascot/x-cgi/db_manager.pl?sub=dbs%3AOriginalDB2 🛛 🖓 🛪 🖒 🏹 🧟 Matrix Sc 🧟 Mascot c 🔏 Masco × 👘 🛧 🕏	X
× Google	▼ 🔄 - 🗣 - 个 - Ø M - 📓 🎍 画 - 🏠 - 🥖 詳細 >> 🛛 🗵 🔛 🗌 - 🖓	•
👍 🧃 Matrix Science - H	Home 🗴 Yahoo! JAPAN 🧕 私のPogoplug 🍚 国土交通省道路局 渋滞	
A atrix Science - F      Database Manager     Databases (8)     Parse rules (16)     Tasks (0)     Settings      OriginalDB2     Copy     Delete	Home ** Yahool JAPAN  ③ 私のPogoplug  ◎ 国土交通省道路局   渋渫 Database: OriginalDB2 Database type Amino acid (nontain database) Database directory C:/inetsub/mascot/sequence/OriginalDB2/current PiginalDB2_*.fasta Dアイル名称 No local FASTA file Database files must be present before database configuration can continue. Please 1. copy the FASTA file to C:/inetsub/mascot/sequence/OriginalDB2/current; 2. rename the file to OriginalDB2_*.fasta, where the asterisk (*) should be replaced with a timestamp or version string, e.g. OriginalDB2_20120511.fasta;	
	3. and refresh this page to continue. Refresh	
	Alternatively, the FASTA file can be downloaded from a remote URL. Set up download URL	
	€,100% ▼	

#### 例)ファイル名: OriginalDB2\_20120530.fastaを、

C:¥inetpub¥mascot¥sequence¥OriginalDB2¥current フォルダへ

The sequence > OriginalDB2 > current المراجع ( در) > inetpub > mascot > sequence > OriginalDB2 > current المراجع ( در)	r i X
整理・ 前、 新しいフォフレター	₩ <b>- - (</b> )
★ お気に入り ダウンロード デスクトルコー マーフィクトルコー (1) (1) (1) (1) (1) (1) (1) (1) (1) (1)	
OriginalDB2_20120530.fasta - メモ帳	
ファイル(E) 編集(E) 書式(Q) 表示(Y) ヘルプ(H)	
<pre>Plu0001 test MATRIXSSCIENCEMASCTDAEMNDISTILLERINTEGRAINSIGHT &gt;100002 sa ariginaldatabaseismadebyspprtengineerinzapan &gt;100003 parserule test example KLASAITREPLMMMVCAASOWERSSDFGHKLMKNVVCFP &gt;100004 no4 AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAASSSSSSSSSSSSSS</pre>	

FASTAファイルを正しい名称にして所定の場所に正しく置くと、Database Manager 画面で認 識されます。設定をさらに進めるため、「Edit Configuration」ボタンを押します。



続いて、IDとDescriptionの抜き出しルール設定を行います。各々の抜き出しルール設定画面へ移行すると、MASCOT側で候補となるルールを最大5つ選択しユーザーに提示します(次 頁図)。ユーザーはFASTAファイル内の各行の記述と抜き出された内容を見比べた上で、最適 な抜き出し方をしているルールを選択し、「Choose」ボタンを押します。続いて現れる画面で 最終的にルールを適用した場合のIDが5例表示されますので、問題がなければ「Confirm」ボタ ンを押します。

同様の操作を「Description」でも実行します(次々頁図)

Accessionの parse rule 設定	
	@ M @ M @ M @ I× ↑ ★ ♡
X Google V S I I	
🚔 @ Matrix Science - Home 😨 Yahoo! JAPAN 🧿 私のPogoplug 坐 国	土交通省道路局 渋滞
Database configura (step 1/2)	tion: OriginalDB2
FASTA file Matching files in directory Or iginal DB2_20120530.f asta (120 B) Accession parse rule (?) (none) Accession 0	
(none) Choose	
Cancel	
Accession and description parse rule must the next step.	be selected before you can continue to
	× ● ● ※ ※ Multic 20/mascot/x: タ・ C × @ Multic 20/mascot/x: タ・ × * * * * * * * * * * * * * * * * * *
Raw test data (5 samples) 1. >ID0001 test 2. >ID0002 sa 3. >ID0008 parse rule test example 4. >ID0004 page	FASTA file accession parse rule for OriginalDB2
FASTA1 行目 Parse rules (5 suitable)	►Edit parse rule
Parse rule Match Extracted data	
<ul> <li>&gt;[^] * ¥(.*¥)</li> <li>&gt;/[] * ¥(.*¥)</li> <li>&gt;/4 more matches</li> <li>. ID0001 test</li> <li>. ID0001 test</li> <li>. ID0001</li> <li>. ID0001</li> <li>. ID0001</li> <li>. ID0001</li> <li>. ID0001 test</li> </ul>	2. ID0002 3. ID0003 4. ID0004 5. ID0005
rematches	Previous Confirm
在)抜き出し例 最適なものを選ぶ の	他のエントリーでも問題な ければ「Confirm」 % ・
● (new parse rule) Cancel Choose 選択後「Choose 我100%	

マトリックスサイエンス株式会社



抜き出しルールを選んだら、「Next」ボタンを押します。



今度はTaxonomyとタンパク質の詳細情報取得先に関する設定画面となります。画面上部ではTaxonomy選別用のルールを選択します(下図)。



マトリックスサイエンス株式会社

また、結果画面のProtein View 画面で表示されるタンパク質の詳細情報に関する設定も行う 事ができます。すべて選択を終えた後、画面最下部の「Save and finish」ボタンを押します。

<ul> <li>         ・ ・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・</li></ul>		
x Coogle ④ Matrix Science - Home *# Yahool JAPAN ③ 私のPoopelug ④ 単土交通答題話局 [法孫 ④ 地震情報 - 日本式集社会 Full-text report source ● None (?) ● External source (?) ● Current setting URL template @ meel @ meel	(←) ② [② http://mtc20/mascot/x-cgi/db_manager.pl?dbs.edit-mode= ♀ ▼ ♂ × ② Ma ② Ma ② Ma ② Ma	
★ ● Matrix Science - Home. Ty Yahool JAPAN ● 私のPoopolg ● 国主交通審議務局   送来 ● 地場情報 - 日本気素協会          Full-text report source         ● None (?)         ● Carrent setting         ULL template         Darse rule         domain         © Copy from EST_human (and similar entries)         http://ettlis.ncbi.nim.aw/entre/eutilis/efeth.fcgi?         ret two=skafe tude=text date-nucleot ided to 1=secol data il support that riscience -coekid=tk000000000000000000000000000000000000	× Google - 3 · 6 · 1 通 一 詳細 > 2 · 2 · 2 · 2 · 2 · 2 · 2 · 2 · 2 · 2	🚰 = 🔍 =
Full-text report source         ● None (?)         ● External source (?)         ● Current setting         URL template         □         □         Parse rule         (and)         □         □         Parse rule         (and)         □	🍰 🗿 Matrix Science - Home 😨 Yahoo! JAPAN 🧿 私のPogoplug 🎍 国土交通省道路局 渋滞 🍭 地震情報 - 日本気象協会	
<ul> <li>None (?)</li> <li>External source (?)</li> <li>Current setting         <ul> <li>URL template</li> <li>Parse rule</li> <li>mone</li> <li>Copy from <i>EST_human</i> (and similar entries)</li> <li>http://waitis.ndbi.nlb.nih.zov/entrez/suitis/efetch.fcgi?</li> <li>rettynez&amp;karetmode:text&amp;kb=rucleotid&amp;ktol=mascot&amp;enail=support@natriscience.com&amp;id=#A0CESSION#</li> <li>Copy from <i>CopyNCBLet</i> (or <i>NCBL 4A template or NCBLet</i>)</li> </ul> </li> <li>Protein View のタンパク質情報取得について。         <ul> <li>必要ないなら「None」。</li> <li>外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや</li> <li>URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定が適用される。</li> <li>(example)</li> </ul> </li> <li>Command line template         <ul> <li>Grower</li> <li>Farse rule</li> <li>mew</li> <li>mew</li> <li>mew</li> <li>mew</li> <li>Barke 「Save and finish」</li> </ul> </li> </ul>	Full-text report source	^
<ul> <li>External source (?)</li> <li>Current setting</li> <li>URL template</li> <li>Parse rule</li> <li>(name)</li> <li>Copy from <i>EST_human</i> (and similar entries)</li> <li>http://gtils.ndbi.nlb.nih.gov/entrez/euilis/eftidfcgi?</li> <li>ret type:gb&amp;retmode=text &amp; dbb=nucleoti de&amp; tool=mascut &amp; demail=support that riscience.com &amp; id=#MOEEESION#</li> <li>(example)</li> <li>Protein View のタンパク質情報取得について。</li> <li>必要ないなら「None」。</li> <li>外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや</li> <li>URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定が適用される。</li> <li>(example)</li> <li>Local program (?)</li> <li>Command line template</li> <li>Parse rule</li> <li>(more)</li> <li>Parse rule</li> <li>(more)</li> <li>We and finish</li> </ul>	None (?)	
<ul> <li>Current setting URL template URL template URL template URL template URL template URL template URL for the set of the</li></ul>	© External source (?)	
URL template Parse rule torree Copy from EST_human (and similar entries) http://wtilis.ncbi.nlm.nlh.gov/entrez/eutils/efetch.fcgi? reftyre=zbkretuode=text&db=rucleotide&tool=mascit&email=support&matrixscience.com&id=#MCCESSIONH (example) Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Command line template Parse rule torree Pervice Sevend finish 選択後 「Save and finish」	Ourrent setting	
Parse rule //wee // Coopy from EST_human (and similar entries) http://wit11s.nchi.ns.v/entrez/eutils/fetch.fcgi? rettype=gs&retuode=text&ds=nucleotide&tol=mascot&email=support@matrixscience.com&id=t#XOXESSIONE (example) Conv from ConVCBInr (or NCBL AA template or NCBInr) Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Concel previous Tare and finish Parse rule // Concel Previous Tare and finish 選択後「Save and finish」	URL template	
Parse rule (none) Crosse Copy from EST_human (and similar entries) http://eutils.nohl.nlm.nhh.gov/entrez/eutils/efetch.fcgi? rettype=gkfretmode=text&ds=nucleotide&tool=mascot&enalissupport@atriscience.com&id=#ACCESSION# (example) Conv from Copy/NCBInc for NCBL 4A template or NCBInt Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Command line template Command line template Crosse Parse rule Crosse Review Exe and finish 選択後「Save and finish」		÷
Parke full         Cone         Copy from EST_human (and similar entries)         http://eutils.nobi.nlm.nih.gov/entrez/eutils/effch.fcgi?         retype=g&zetmode=text&dat=nucleotide&tool=mascet&mail=support@matrixscience.com&id=##00000000000000000000000000000000000	Darre rule	
Crocese C		
Copy from EST_human (and similar entries) Mitrix and i.nla.nih.gov/entrez/eut lis/efetch.fcgi? rettype=gb&retaode=text&db=nucleotide&tol=mascot&email=support@matrixscience.com&id=#ACCESSIO# (example) Conv from Conv/CEInr (or NCBL AA template or NCEInr) Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Concernernernernernernernernernernernernerne		
<ul> <li>Copy from EST_human (and similar entries)         http://eutils.ncbi.nlm.nlm.gov/entrez/eutils/eftch.fcgi?         rettyre=zdvartuade=text&amp;duc=rucleotide&amp;tool=mascot&amp;email=support&amp;matrixscience.com&amp;id=#MOCESSIOW#         (example)     </li> <li>Copy from Copy/CBIpr (or NCBL AA template or NCBIpr)         Protein View のタンパク質情報取得について。         必要ないなら「None」。         外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや         URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定         が適用される。         (example)     </li> <li>Local program (2)         Command line template         Parse rule         (mare)         Conce         Evaluate times         Evaluate</li></ul>	Choose	
http://eutils/netinih.gov/entrez/eutils/eteth.tcgi? rettype=g&kretmode=text&db=rucleotide&tool=mascot&mail=support&matrixscience.com&id=thQCESSION# (example) Conv from ConvVCBInc (or NCBL AA. template or NCBInc) Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Concel program (?) Command line template // concel Parse rule // concel Pervices Save and finish 選択後「Save and finish」	Copy from EST_human (and similar entries)	
(example) Conv from ConvICBIA (or NCBL AA template or NCBIA) Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Chocel program (?) Command line template Chocel Previous Save and finish ] 選択後 「Save and finish」	http://eutils.ncbi.nlm.nih.gov/entrez/eutils/efetch.fcgi? rettype=gb&retmode=text&db=nucleotide&tool=mascot&email=support@matrixscience.com&i	id=#ACCESSION#
Coov from Coov/KCBInr (or NCBL A4 template or NCBInr) Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Cocol program (?) Command line template (none) Parse rule (none) Cancel Previous Save and finish 選択後 「Save and finish」	(example)	
Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Command line template Concee Concee Concee Concee Concee Concee Concee Concee Concee Concee Concee Concee Concee Concee Concee	Copy from CopyNCBInr (or NCBI_AA_template or NCBInr)	
必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) ・ Local program (?) Command line template (none) Parse rule (none) Choose Cancel Previous Save and finish 選択後「Save and finish」		
外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマンドラインや URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Command line template Parse rule (none) Choose Cencel Previous Save and finish 選択後 「Save and finish」	Protein View のタンパク質情報取得について。	
URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選べば同じ設定 が適用される。 (example) Command line template Parse rule (none) Cancel Previous Save and finish」 選択後「Save and finish」	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。	
が適用される。 (example) ・ Local program (?) Command line template Parse rule (none) Choose Cancel Previous Save and finish 選択後「Save and finish」	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ	?ンドラインや
(example) ● Local program (?) Command line template Parse rule (none) Choose Cancel Previous Save and finish 選択後「Save and finish」	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ URLを記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選	?ンドラインや 選べば同じ設定
<ul> <li>Local program (?) Command line template</li> <li>Parse rule (none)</li> <li>Choose</li> <li>Cancel Previous Save and finish</li> <li>選択後「Save and finish」</li> </ul>	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ URLを記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。	?ンドラインや 選べば同じ設定
Command line template Parse rule (none) Choose Cancel Previous Save and finish 選択後「Save and finish」 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ URLを記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。 (example)	?ンドラインや 選べば同じ設定
Parse rule (none) Choose Cancel Previous Save and thish 選択後「Save and finish」	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ URLを記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。 (example) © Local program (?)	?ンドラインや 選べば同じ設定
Parse rule (none) Choose Cancel Previous Save and finish Save and finish	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマ URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。 (example) © Local program (?) Command line template	?ンドラインや 選べば同じ設定
(none) Choose Cancel Previous Save and finish 選択後「Save and finish」 *	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ URLを記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。 (example) Command line template	?ンドラインや 攫べば同じ設定
Choose Cancel Previous Save and finish 選択後「Save and finish」 * * * * * * * * * * * * * * * * * * *	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ URLを記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。 (example) Command line template	?ンドラインや 選べば同じ設定
Cancel Previous Save and finish 選択後「Save and finish」	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ URLを記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。 (example) <b>Local program</b> (?) Command line template	?ンドラインや 選べば同じ設定
€ 100% ▼	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ URLを記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。 (example) <b>Local program</b> (?) Command line template	?ンドラインや 遅べば同じ設定
€ 100% ▼	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラム を利用する場合、コマ URL を記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。 (example) Command line template	?ンドラインや 選べば同じ設定
	Protein View のタンパク質情報取得について。 必要ないなら「None」。 外部プログラム/内部プログラムを利用する場合、コマ URLを記入、または既存のデータベース設定の選択肢を選 が適用される。 (example) Concel program (?) Command line template	?ンドラインや 選べば同じ設定

個別のデータベース設定画面に戻ります。Save直後では Active状態になっていませんので、 「Activate」ボタンを押せば、データベースの構築が開始され、検索に利用する事ができるよう になります。



### ● Section 別 設定内容 :: Tasks Section

#### □ database 更新進捗の確認

データベース更新プログラムのプロセスは、「Task」として管理されます。更新の進捗を確認 したい場合、「Tasks」セクションへアクセスしてください。

Database manager の、左フレーム「Database Manager」-「Tasks」を選びます。



Task は 実行待ち/実行中/実行終了の状態によって3つのセクションに分けて表示されます。



Tasks 画面

実行中のtaskについてはその進捗度が%表示で表され、ダウンロードするファイルのサイズと現段階でダウンロードしたファイルサイズ、並びに通信速度も併せて表示されます。

(and the second dependence of the second depen	r - Mozilla Firefox			
ファイル(E) 編集(E) 表示(⊻	<u>(</u> ) 履歴( <u>S</u> ) ブックマーク( <u>B</u> ) ツール	(工) ヘルプ(圧)		
Matrix Science - Home	× Mascot configurat	ion × Mascot Database	Manager × +	8
🔶 🔶 🏫 🔲 mtc20	/mascot/x-cgi/db_manager.pl?sessi	onID=;sub=tasks	🏫 च 😋 🚼 च Google	٩
🔊 よく見るページ 🥹 Firefox	x を使いこなそう <u>ы</u> 最新ニュース			
Database Manager Databases (14) Parse rules (21) Tasks (1) Settings	Database Manager processes so running. Task processing is currently encontrol No tasks in queue. Title	ager tasks cheduled tasks one at a time in the ba abled. Task queue and currently runn	ickground as long as Mascot (ms-monitor.exe) is ing tasks are shown below. <b>▶Task process</b>	E
	Download files for NCBInr download.pl NCBInr	Thu May 31 10:48:01 2012 [48.59 of 5): 5 remain	6] ownloading <ftp: ftp.ncbi.nih.gov<br="">w.com/gi_taxid_prot.dmp.gz&gt; (try 1 out 46 kB/s (38.73 MB/127 MB, 2m 45s a)</ftp:>	
	Task log		進捗度か%で表示。時間を元 した数字でないので注意	
	Process end time	Command		
	[Wed May 30 11:27:15 2012]	dbman_download.pl IPI_bovine	(success) Database 'IPI_bovine' successfully updated.	
	[Wed May 30 11:23:32 2012]	dbman_download.pl Environmental_ES1	(success) Database 'Environmental_EST' successfully updated.	
	[Tue May 29 22:47:15 2012]	dbman_download.pl <mark>SwissProt</mark>	(success) Database 'SwissProt'	-

● 技術サポート

アップグレードに関してご質問等ありましたら弊社技術サポートにご連絡ください。

電子メール :support-jp@matrixscience.com

電話:03-5807-7897 ファックス:03-5807-7896