



Scaffold DDA

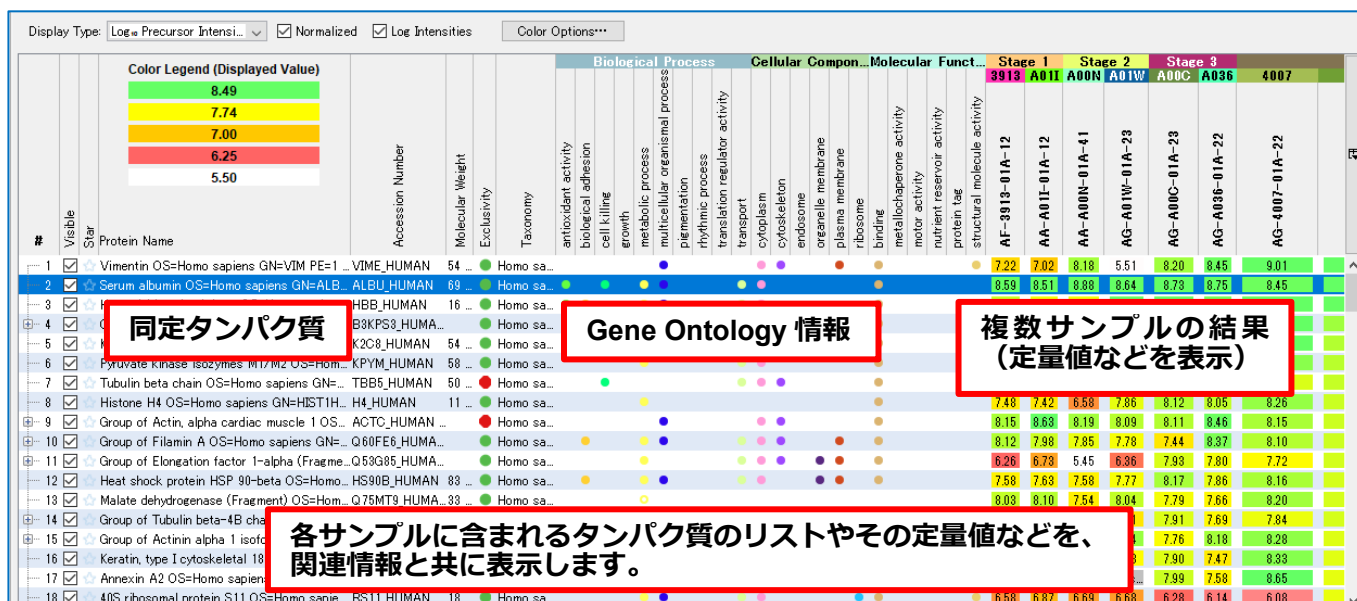


DDA プロテオーム解析において、関連ソフトウェアの解析結果を取り込んで、データ横断的な同定・定量解析を行うソフトウェアです

[主な特徴・機能]

- Mascot, Scaffold 5, MaxQuant, Proteome Discoverer をはじめ各種検索エンジンや解析ソフトウェアのタンパク質 同定/定量結果ファイルを取り込み、データ横断的に解析
- MSFragger との対応により Raw データから解析を開始する事が可能
- “Experimental Design Wizard”：各サンプルの関係性を定義するとともに、適した統計解析手法を案内
- Gene Ontology 対応：タンパク質の役割・生化学的な機能・発現位置を表す情報の表示
- 定量値を使った統計解析・グラフ表示
- XLS をはじめとする様々なフォーマットで結果内容を出力
- 無償 Viewer ソフトウェア：使いやすい GUI を誰でも利用可能

データ横断的な同定・定量解析



Scaffold DDA で読み込みが可能な解析データ [同定・定量]

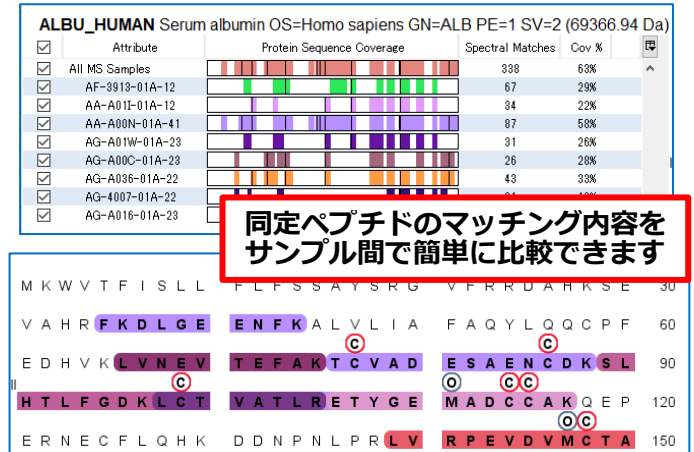
- Mascot Server, Mascot Distiller, MaxQuant, Proteome Discoverer, MSFragger, FragPipe など
- Scaffold 5/Q+S など Proteome Software 社旧プログラムの解析ファイル (sf3)
- mzIdentML (上記以外の検索エンジンの結果についても取り込みが可能)

Experimental Design Wizard

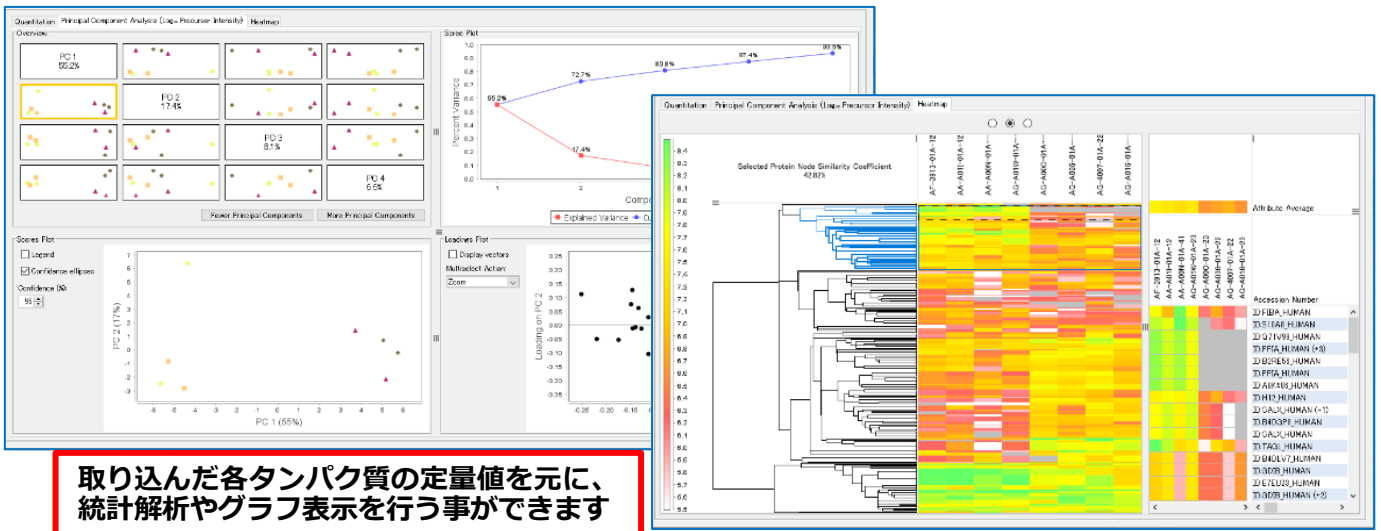
各データの関係性を定義できます。定義内容に適した統計解析手法が選択できます。

Stage 1	Stage 2	Stage 3	Stage 4
AA-A017-01A-12	AA-A00N-01A-11	AG-A036-01A-22	AG-A016-01A-28
AF-3913-01A-12	AG-A01W-01A-23	AG-A00C-01A-28	AG-4007-01A-22

Sequence Coverage 比較表示



統計解析とグラフ表示



インストールするコンピュータの推奨スペック

OS : Mac (最低 OS 10.9 以降, 最新版推奨) Windows 10 / 11 , Linux (Ubuntu 12 以降)
 メモリ : 64 GB 以上 ディスク : SSD (HDD と合わせて 1TB 以上)

国内販売代理店

マトリックスサイエンス株式会社



住所 : 〒110-0015 東京都台東区東上野 1-6-10 ART ビル 1F
 TEL : 03-5807-7895 FAX : 03-5807-7896
 URL : <http://www.matrixscience.co.jp> Email : info-jp@matrixscience.com